

GenCore version 4.5  
Copyright (c) 1993 - 2000 Compugen Ltd.

## OM protein - protein search, using sw model

Run on: March 1, 2001, 15:47:09 ; Search time 210.42 Seconds

(without alignments)

10.238 Million cell updates/sec

Title: US-09-331-631A-3\_COPY\_186\_248

Perfect score: 353

Sequence: KRPQKREYEDCRRRCFQQE.....LINPQRGGSGRYEEGBKQS 63

Scoring table: BLOSUM62

Gapop 10.0 , Gapext 0.5

Searched: 268485 seqs, 34197795 residues

Total number of hits satisfying chosen parameters: 268485

Minimum DB seq length: 0

Maximum DB seq length: 200000000

Post-processing: Minimum Match 0%  
Maximum Match 100%  
Listing first 45 summaries

Database : A\_Geneseq\_36:\*

1: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1980.DAT: \*  
2: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1981.DAT: \*  
3: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1982.DAT: \*  
4: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1983.DAT: \*  
5: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1984.DAT: \*  
6: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1985.DAT: \*  
7: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1986.DAT: \*  
8: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1987.DAT: \*  
9: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1988.DAT: \*  
10: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1989.DAT: \*  
11: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1990.DAT: \*  
12: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1991.DAT: \*  
13: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1992.DAT: \*  
14: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1993.DAT: \*  
15: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1994.DAT: \*  
16: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1995.DAT: \*  
17: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1996.DAT: \*  
18: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1997.DAT: \*  
19: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1998.DAT: \*  
20: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA1999.DAT: \*  
21: /SIDS1/gcdata/geneseq/geneseq/AA2000.DAT: \*

Pred. No. is the number of results predicted by chance to have a score greater than or equal to the score of the result being printed, and is derived by analysis of the total score distribution.

## SUMMARIES

Result No.	Score	Query Match Length	DB ID	Description
1	353	100.0	666	19 w62829 Macadamia integrifolia
2	334	94.6	625	19 w62830 Macadamia integrifolia
3	332	94.1	666	19 w62828 Macadamia integrifolia
4	118.5	33.6	525	19 w62831 Theobroma cacao an
5.	118.5	33.6	566	13 R20181 Sequence encoded by
6	118	33.4	590	19 w62832 Gossypium hirsutum
7	103	29.2	637	19 w62837 Hordeum vulgare an
8	74.5	21.1	593	19 w62835 Zea mays antimicro
9	73	20.7	919	10 P93109 Human androgen rec
10	73	20.7	919	18 W14783 Androgen receptor.
11	73	20.7	919	21 Y78914 Human androgen rec
12	72.5	20.5	919	10 P90996

RESULT		1	
W62829	ID	W62829	standard; Protein: 666 AA.
XX	AC	W62829;	
XX	DT	27-OCT-1998	(first entry)
XX	DE	Macadamia integrifolia	antimicrobial protein; infestation; control.
XX	KW		
OS	Macadamia integrifolia.		
XX	KEY		Location/Qualifiers
FT	Peptide	1..28	/note= "signal peptide"
FT	Protein	29..666	/note= "mature protein"
XX	PT	W09827805-A1.	
XX	PD	02-JUL-1998.	
XX	PP	22-DEC-1997;	97WO-AU00874.
XX	PR	20-DEC-1996;	96AU-0004275.
XX	PA	(RETR.) COOP RBS CENT TROPICAL PLANT PATHOLOGY.	
XX	PB	Bower NI, Goulter KC, Green JL, Manners JM, Marcus JP;	
XX	WP1	WPI: 1998-377279/32.	
DR	N-PSDB; V42311.		

PT Novel anti-microbial protein from e.g. Macadamia integrifolia -  
 PT useful for controlling microbial infestations of plants or mammals  
 XX  
 PS Claim 1; Page 39-41; 96pp; English.  
 CC The sequence is that of an antimicrobial protein which can  
 CC be used to control microbial infestations in plants and mammalian  
 CC animals.  
 XX  
 SQ sequence 666 AA;

Query Match 100.0%; Score 353; DB 1.9; Length 666;  
 Best Local Similarity 100.0%; Pred No. 1.8e-32; Indels 0; Gaps 0;  
 Matches 63; Conservative 0; Mismatches 0; Indels 0; Gaps 0;

Qy 1 KRDPOQREYEDCRRCEQQEPHQYQCQRRCREOQRHGRGGDLINPQGGSGRYEEGEE 60  
 Db 145 krdpqreyedcrrceqqephqyqcqrqccrqgrqhqrgdlnnpqrqsgsryeegee 204

Qy 61 KQS 63  
 Db 246 kqs 248

RESULT 2  
 W62830 W62830 standard; Protein: 625 AA.  
 ID W62830;  
 AC W62830;  
 XX  
 DE 27-OCT-1998 (first entry)  
 Macadamia integrifolia antimicrobial protein.  
 KW antimicrobial protein; infestation; control.  
 XX  
 OS Macadamia integrifolia.  
 XX  
 FH Key Location/Qualifiers  
 Peptide 1..28  
 FT /note= "signal peptide"  
 Protein 29..666  
 /note= "mature protein"  
 FT  
 PN W09827805-A1.  
 XX  
 PD 02-JUL-1998.  
 PP 22-DEC-1997; 97WO-AU000874.  
 PR 20-DEC-1996; 96AU-0004275.  
 PA (RETR-) COOP RES CENT TROPICAL PLANT PATHOLOGY.  
 XX  
 PI Bower NI, Goulter KC, Green JL, Manners JM, Marcus JP;  
 DR WPI; 1998-377279/32.  
 DR N-PSDB; V42310.

XX  
 PT Novel anti-microbial protein from e.g. Macadamia integrifolia -  
 PT useful for controlling microbial infestations of plants or mammals  
 XX  
 PS Claim 1; Page 34-36; 96pp; English.  
 CC The sequence is that of an antimicrobial protein which can  
 CC be used to control microbial infestations in plants and mammalian  
 CC animals.  
 XX  
 SQ Sequence 666 AA;

Query Match 94.1%; score 332; DB 19; Length 666;  
 Best Local Similarity 92.1%; Pred No. 4.5e-30; Indels 0; Gaps 0;  
 Matches 58; Conservative 4; Mismatches 1; Indels 0; Gaps 0;

Qy 1 KRDPOQREYEDCRRCEQQEPHQYQCQRRCREOQRHGRGGDLINPQGGSGRYEEGEE 60  
 Db 186 krdpqreyedcrrceqqephqyqcqrqccrqgrqhqrgdlnnpqrqsgsryeegee 245

Qy 61 KQS 63  
 Db 246 eqs 248

---

RESULT 3  
 W62828 W62828 standard; Protein: 666 AA.  
 ID W62828;  
 AC W62828;  
 XX  
 DE 27-OCT-1998 (first entry)  
 Macadamia integrifolia antimicrobial protein.  
 KW antimicrobial protein; infestation; control.  
 OS Macadamia integrifolia.  
 XX  
 FH Key Location/Qualifiers  
 Peptide 1..28  
 FT /note= "signal peptide"  
 Protein 29..666  
 /note= "mature protein"  
 FT  
 PN W09827805-A1.  
 XX  
 PD 02-JUL-1998.  
 PP 22-DEC-1997; 97WO-AU000874.  
 PR 20-DEC-1996; 96AU-0004275.  
 PA (RETR-) COOP RES CENT TROPICAL PLANT PATHOLOGY.  
 XX  
 PI Bower NI, Goulter KC, Green JL, Manners JM, Marcus JP;  
 DR WPI; 1998-377279/32.  
 DR N-PSDB; V42310.

XX  
 PT Novel anti-microbial protein from e.g. Macadamia integrifolia -  
 PT useful for controlling microbial infestations of plants or mammals  
 XX  
 PS Claim 1; Page 34-36; 96pp; English.  
 CC The sequence is that of an antimicrobial protein which can  
 CC be used to control microbial infestations in plants and mammalian  
 CC animals.  
 XX  
 SQ Sequence 666 AA;

Query Match 94.1%; score 332; DB 19; Length 666;  
 Best Local Similarity 92.1%; Pred No. 4.5e-30; Indels 0; Gaps 0;  
 Matches 58; Conservative 4; Mismatches 1; Indels 0; Gaps 0;

Qy 1 KRDPOQREYEDCRRCEQQEPHQYQCQRRCREOQRHGRGGDLINPQGGSGRYEEGEE 60  
 Db 186 krdpqreyedcrrceqqephqyqcqrqccrqgrqhqrgdlnnpqrqsgsryeegee 245

Qy 61 KQS 63  
 Db 246 eqs 248

W6283<sup>1</sup>  
 ID W62831 standard; Protein; 525 AA.  
 XX  
 AC W62831;  
 XX  
 DT 27-OCT-1998 (first entry)  
 DE Theobroma cacao antimicrobial protein.  
 KW antimicrobial protein; infestation; control.  
 OS Theobroma cacao.  
 XX  
 PN WO9827805.A1.  
 XX  
 PD 02-JUL-1998.  
 XX  
 PF 22-DEC-1997; 97WO-AU00874.  
 PR 20-DEC-1996; 96AU-0004275.  
 XX  
 PA (RETR-) COOP RES CENT TROPICAL PLANT PATHOLOGY.  
 XX  
 PT Bower NI, Goulter KC, Green JL, Manners JM, Marcus JP;  
 DR WPI; 1998-377279/32.  
 XX  
 PT Novel anti-microbial protein from e.g. Macadamia integrifolia - useful for controlling microbial infestations of plants or mammals  
 XX  
 PS Claim 1; Page 47-49; 96pp; English.  
 CC The sequence is that of an antimicrobial protein which can be used to control microbial infestations in plants and mammalian  
 CC animals.  
 XX  
 SO Sequence 525 AA;

Query Match 33.6%; Score 118.5; DB 19; Length 525;  
 Best Local Similarity 41.2%; Pred. No. 6.3e-06; Indels 9; Gaps 4;  
 Matches 28; Conservative 14; Mismatches 17; Indels 9; Gaps 4;

Qy 1 KRDPOQREYEDCRRCEQQ--EPRQYQCORRC---REQRORHGRGGDLINPQRGGSGR 54  
 :|||:|||:||||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:  
 Db 35 erdprq-qyeqcqrcceseatteeereqeqrcerreykeqrrqee--elqrqyqcgqr 91

Qy 55 YEEGERKQ 62  
 :| :| :|  
 Db 92 cqeqqqqq 99

---

RESULT 5  
 R20181  
 ID R20181 standard; Protein; 566 AA.  
 AC R20181;  
 DT 16-APR-1992 (first entry)  
 XX  
 DE Sequence encoded by 67 kD T. cacao protein cDNA.  
 DE cocoa; flavour; vicilin; seed storage protein.  
 OS Theobroma cacao.  
 XX  
 PN WO9119801.A.  
 XX  
 PD 26-DEC-1991.  
 XX  
 PF 07-JUN-1991; 91WO-GB00914.  
 PR 11-JUN-1990; 90GB-0013016.

RESULT 6  
 W62832  
 ID W62832 standard; Protein; 590 AA.  
 XX  
 AC W62832;  
 XX  
 DT 27-OCT-1998 (First entry)  
 DE Gossypium hirsutum antimicrobial protein.  
 DE Gossypium hirsutum antimicrobial protein; infestation; control.  
 OS Gossypium hirsutum.  
 XX  
 PN WO9827805.A1.  
 XX  
 PD 02-JUL-1998.  
 XX  
 PF 22-DEC-1997; 97WO-AU00874.  
 PR 20-DEC-1996; 96AU-0004275.  
 XX  
 PA (RETR-) COOP RES CENT TROPICAL PLANT PATHOLOGY.  
 XX  
 PT Bower NI, Goulter KC, Green JL, Manners JM, Marcus JP;  
 XX  
 DR WPI; 1998-377279/32.  
 XX  
 PT Novel anti-microbial protein from e.g. Macadamia integrifolia - useful for controlling microbial infestations of plants or mammals  
 XX  
 PS Claim 1; Page 49-51; 96pp; English.  
 CC The sequence is that of an antimicrobial protein which can



CC	Query Match T63407) can be used to prevent androgen receptor gene expression, thereby inhibiting the growth or survival of prostatic cells for the treatment of benign prostatic hyperplasia and prostate cancer.
CC	Best local Similarity 32.8%; pred. No. 1.6;
CC	Matches 19; Conservative 15; Mismatches 22; Indels 2; Gaps 1;
QY	5 QQRREVEDCHRRCEQQEPROQYOCORRCREQQORHQGRGGDLINPQKGSGRYEEGEGKQ 62    : : :: :    :      :   :    :      :      :      :      :      :      :      Db 58 qqqqq-q-dqqqqqqqqqqqgqtsprqqqqggdsgsqahrrgptgyvlvdseq 113
SQ	Sequence 919 AA;  RESULT 11 Y78914 20 %; Score 73; DB 18; Length 919; ID Y78914 standard; protein; 919 AA. XX AC Y78914; XX DT 23-MAY-2000 ( first entry) XX DE Human androgen receptor (AR) amino acid sequence. XX KW Androgen receptor; AR; androgen-independent activation; inhibitor; KW cancer; benign prostatic hyperplasia; hirsutism; androgenic alopecia; KW acne; breast cancer; Kennedy disease; prostate cancer. XX OS Homo sapiens. XX PN WO200001813-A2. XX PD 13-JAN-2000. XX PF 30-JUN-1998; 99WO-CA00604. XX PR 30-JUN-1998; 98US-0091871. XX PA (UYBR-) UNIV BRITISH COLUMBIA. XX PI Sadar MD, Bruchovsky N, Gout PW, Snoek R, Mawji NR; DR WPT; 2000-182113/16. XX PT Novel non-androgen ligand binding peptides for inhibiting androgen-independent activation of androgen receptor, used for screening compounds and for treatment of androgen-mediated diseases such as prostate cancer XX PS Disclosure; Page 7; 32pp; English. XX CC This sequence represents the human androgen receptor (AR) amino acid sequence. The invention relates to a fragment of the AR corresponding to amino acids 234-391 (see Y78913). The fragment mediates androgen-independent activation of the AR. The androgen receptor acts as a transcription factor, regulating the expression of certain androgen-responsive genes. Interaction of the AR with the protein kinase A signal transduction pathway involves interaction with the androgen independent region. The AR fragment and peptides derived from it can be used as agents for inhibiting androgen independent activation of the androgen receptor, as activation domains, and as a tool for screening for compounds which affect androgen-independent activation of the AR. The peptides, when used in combination with androgen deprivation, effectively limit androgen mediated disease progression. These diseases include cancer, benign prostatic hyperplasia, hirsutism, androgenic alopecia, acne, breast cancer, Kennedy disease, and especially prostate cancer. The peptides and nucleic acids encoding them, are especially used for the treatment of androgen mediated diseases, especially prostate tumours in patients deprived of androgen. XX Sequence 919 AA;



PD 16-SEP-1999.

XX  
PF 11-MAR-1999; 99WO-US05250.XX  
PR 12-MAR-1998; 98US-0041886.XX  
PA (BURN-) BURNHAM INST.XX  
PT Bredesen DE, Rabizadeh S;XX  
DR WPI; 1999-561617/47.XX  
PT New proapoptotic dependence peptides, used to develop products for  
treating, e.g. Alzheimer's disease -XX  
PS Disclosure; Page 178-179; 199P; English.

This invention describes novel pure proapoptotic dependence peptides which comprise a sequence of an active dependence domain selected from dependence polypeptides consisting of p55<sup>NTR</sup>, androgen receptor, DCC, huntingtin polypeptide, Machado-Joseph disease gene product, SCA1, SCA2, SCA5 and atrophin-1 polypeptide. The proapoptotic peptides are capable of inducing cell death and can be used to develop products to mediate or inhibit apoptosis. The methods can be used for reducing the severity of a proapoptotic dependence domain mediated pathological conditions e.g. Huntington's disease, Alzheimer's disease, Kennedy's disease,

Spinocerebellar ataxias, dentatorubropallidoluysian atrophy, Machado-Joseph disease, stroke or head trauma. They can also be used for reducing the severity of a pathological condition mediated by upregulated cell proliferation or cell survival e.g. neoplastic, malignant, autoimmune or fibrotic conditions. This sequence represents a human unliganded androgen receptor described in the method of the invention.

XX  
SQ Sequence 154 AA;

Query Match 20.1%; Score 71; DB 20; Length 154;

Best Local Similarity 32.8%; Pred. No. 0.45; Matches 19; Conservative 12; Mismatches 21; Indels 6; Gaps 1;

QY 5 QOREEDCRRRCEQQEPQQYQCQRCREQORHQHGGDLINPQGGSGGYEEEEKQ 62

Db 58 qqqqqq----qqqqqqqqqqqqspriqqqqqqqqedgspqahrrgrplgylvdeeq 109

RESULT 15

W37483

ID W37483 standard; Protein: 669 AA.

AC W37483;

XX

DT 27-MAR-1998 (first entry)

XX

DE Mouse liver cancer-originated culture cell growth factor.

XX

KW Mouse; human; liver cancer-originated culture cell growth factor;

KW hHDGF; HET-A; HET-B;

XX

OS Mus sp.

XX

PN JP09313185-A.

XX

PD 09-DIC-1997.

XX

PR 27-MAY-1996; 96JP-0131788.

XX

PA (KISHI) KISHIMOTO C.

PA (SEKI) SEKISUI CHEM IND CO LTD.

XX

DR DR N-PSDB; V01731.

XX

DNA segment encoding protein homologous to human liver

cancer-originated culture cell - which may be modified to produce

polypeptide of at least 5 continuous amino acids, useful in

producing, e.g. protein HET-A

XX  
PS Claim 10; Page 13-14; 18pp; Japanese.XX  
CC The present sequence represents a protein which has local homology to a

CC human liver cancer-originated culture cell isolated from a mouse

CC testis cDNA library. The sequence may (1) be modified to produce a

CC polypeptide comprising at least 5 continuous amino acids; (2) a

CC polypeptide protein similar to protein of (1), but comprises no protein

CC combined naturally and also has 2 amino acid sequences (as given in

CC the specification) which may be modified to produce a sequence of at

CC least 5 amino acids; (3) a recombinant DNA molecule comprising a vector

CC and the DNA segment of (1); (4) a cell comprising (3); (5) producing a

CC polypeptide comprising amino acids corresponding to a protein of (1),

CC in which a cell comprising (3) is cultured under a conditions enabling

CC the expression of (1) to produce the polypeptide which is isolated.

CC The above method may be used to produce proteins HET-A and HET-B.

XX  
SQ Sequence 669 AA;

Query Match 20.1%; Score 71; DB 19; Length 669;

Best Local Similarity 35.0%; Pred. No. 2;

Matches 21; Conservative 8; Mismatches 25; Indels 6; Gaps 1;

QY 1 KRDPQOREEDCRRRCEQQEPQQYQCQRCREQORHQHGGDLINPQGGSGGYEEEEKQ 60

Db :||::|:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||:|||

Search completed: March 1, 2001, 15:47:10

Job time: 235 sec

